

Animal RNA Pull-down Kit

货号: NR3131C

1. 产品介绍	1
2. 试剂盒操作流程图	2
3. 实验前准备	3
4. 试剂盒操作步骤	5
5. 产品注意事项	6
6. 常见问题	7

1. 产品介绍

本试剂盒为研究 RNA-蛋白质相互作用(RNA-Protein Interaction, RPI)提供高效、可靠的解决方案。该技术以目的 RNA 序列为中心,特异性捕获并鉴定与其相互作用的蛋白质。试剂盒以目的 RNA 片段为模板,合成生物素标记的特异性 RNA 探针。生物素标记的 RNA 探针通过高亲和力结合到预偶联在磁珠表面的链霉亲和素(Streptavidin)上。将固定有 RNA 探针的磁珠与含有潜在互作蛋白的提取液(如细胞裂解液)在适当条件下孵育,使目的 RNA 与其结合蛋白发生特异性结合,形成磁珠-链霉亲和素-生物素-RNA 探针-蛋白复合物。通过多次严格洗涤,有效去除未结合或非特异性结合的游离蛋白质及其他杂质。本试剂盒采用两种洗脱方式,变性洗脱和非变性/温和洗脱可选)。洗脱得到的蛋白质可通过 Western Blot (WB) 验证特定目标蛋白,或通过质谱分析 (MS) 进行高通量鉴定。本产品可应用于动物细胞、组织等样品的 RNA 与蛋白结合的 RNA Pull down 实验,具体组分见表 1。

产品优势:

高特异性: 链霉亲和素-生物素系统提供超高亲和力结合,确保探针高效固定与复合物稳定性。

高灵敏度: 优化的缓冲体系与磁珠分离技术, 有效富集低丰度互作蛋白。

操作便捷: 基于磁珠分离技术,操作快速简单,易于实现高通量。

兼容性广: 适用于多种样本来源(细胞、组织、植物等)的蛋白质提取液。

下游应用灵活: 洗脱蛋白兼容 Western Blot 及质谱 (MS) 等高通量鉴定技术。

表 1. Animal RNA Pull-down Kit 组分

 名称	12 Tests 规格	24 Tests 规格	储存条件
Streptavidin Magnetic Beads	500 μL	1 mL	4℃,1年
Lysis Buffer	7 mL	14 mL	4℃,1年
NT2 Buffer	15 mL	32 mL	4℃,1年
RNA Structure Buffer	650 µL	1.3 mL	4℃,1年
Wash Buffer	32 mL	64 mL	4℃,1年
Elution Buffer	650 µL	1.3 mL	-20 ℃,1年
Protease inhibitor	230 μL	460 µL	-20 ℃,1年
RNase inhibitor	65 µL	130 µL	-20℃,1 年

请注意,本试剂盒不包含所有必需试剂/耗材,请参照清单另行准备:

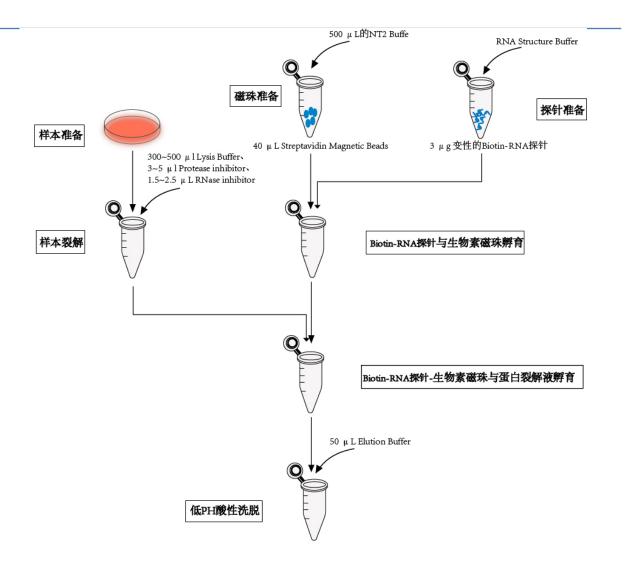
所需试剂: ① RNA 探针; ② PBS 缓冲液; ③ RNase-free 水; ④ RNA 纯化试剂盒 (RNeasy Mini Kit)

所需仪器: ① 超声仪 (用于裂解样本); ② 低温离心机; ③ 混匀仪; ④ 磁力架; ⑤ 无 RNase 的实验材

料:如离心管、枪头等。

*注意: Biotin-RNA 探针可通过公司定制或自行制备,如需自行制备,制备方法可参考以下 3.2 的实验方法。

2. 试剂盒操作流程图



3. 实验前准备

* 注意:以下样本收集量均为1组的建议用量,设计多组实验,样本量请按照实际使用量配置。如设计实验组和对照组,则需收集建议量的2倍,以此类推。

3.1 样本收集

3.1.1 贴壁细胞样本

吸净培养容器中的培养基,并加入 PBS 后用细胞铲将细胞刮入离心管中(或加入适量 PBS 清洗 1 次细胞后用 胰酶消化细胞,加入血清终止反应后收集于离心管中),离心去掉上清,再加入 PBS 清洗细胞 2 次,离心后 去除上清收集沉淀样本,每组细胞总量 1~2x10⁷ 个。

3.1.2 悬浮细胞样本

将细胞悬液转移至样品管中,离心弃掉上清。去除上清后用 PBS 清洗细胞 2-3 次,直至把所有的培养基去除

干净, 每组细胞总量 1~2x10⁷ 个。

3.1.3 动物组织样本

组织离体 15 分钟内,立即将其用消毒过的刀具切成小块,用 PBS 或生理盐水洗净血液、体液等影响实验结果的残留成分,于液氮中进行充分研磨,每组样本量为 100~200 mg。

3.2 RNA 探针制备

3.2.1 实验试剂

- ▶ 目的基因质粒/PCR
- ▶ 正义链和反义链的 T7 引物
- > T7 体外转录试剂盒
- ➤ DNA 凝胶回收试剂盒
- ▶ 生物素 RNA 标记混合物 (Biotin RNA labeling Mix)
- > RNA 纯化试剂盒 (RNeasy Mini Kit)

3.2.2 实验方法

- *注意:由于RNA容易降解,建议在RNA Pull down实验当天或前一天进行体外转录实验。
- (1) 根据目标 RNA 序列设计含 T7 启动子 (TAATACGACTCACTATAGGG) 的引物

探针类型	引物名称	引物序列
正义链探针	正义链-上游引物	5'- TAATACGACTCACTATAGGG+目的基因上游引物-3'
正义挺抹打	正义链-下游引物	5'- 目的基因下游引物 -3'
反义链探针	反义链-上游引物	5'- 目的基因上游引物 -3'
	反义链-下游引物	5'- TAATACGACTCACTATAGGG+目的基因下游引物 -3'

- (2) 以目的基因的质粒/PCR 产物为模板,PCR 分别获得 T7-正义链和 T7-反义链的 RNA 转录模板,按照 DNA 凝胶回收试剂盒说明书要求回收纯化目标 DNA。
- (3) 以上述 DNA 为模板,按照自备的 RNA 体外转录试剂盒说明书配置反应体系,以 Invitrogen 货号为AM1344 的 T7 体外转录试剂盒 mMESSAGE mMACHINE® Kit 为例,配置以下体系:

组分	用量
10*Reaction Buffer	2 μL
10*Biotin RNA labeling Mix	2 μL
DNA 模板	0.5 μg
T7 RNA Polymerase Enzyme Mix	$2~\mu L$
RNase-free H ₂ O	Up to 20 μL

37℃孵育 2 h, 再加入 1 μL DNase I, 37℃孵育 15 min 将 DNA 模板消化, 得到正义和反义 RNA。

- *注意:该体系和步骤可能因转录试剂盒的不同而有所差别,请务必根据试剂盒说明书操作。
- (3) 根据 RNA 纯化试剂盒说明书操作去除 RNA 产物中游离的生物素 UTP;
- (4) 取 2 μL 对 RNA 检测浓度; 取 1~2 μL RNA 进行 2%琼脂糖凝胶电泳检测 RNA 质量和长度;符合要求的 RNA 置于-80℃保存或直接用于后续实验。

4. 试剂盒操作步骤

*注意:以下操作均为1组用量,设计多组样本,试剂用量请按照实际使用量配置。如设计实验组和对照组,则为操作说明用量的2倍,以此类推。

4.1 蛋白提取

- (1) 样本加入 300~500 μL 预冷的 Lysis Buffer、3~5 μL Protease inhibitor (按 1:100 添加) 和 1.5~2.5 μL RNase inhibitor (按 1:200 添加) , 吹打混匀。
- a. 动物细胞: 置于冰上裂解 30 min, 间隔手动混匀, 为了更充分裂解, 也可以冰上超声至溶液基本澄清。
- b. 动物组织:最好冰上超声破碎至溶液基本澄清,也可以置于冰上裂解 30 min,间隔手动混匀。
- (2) 于 4 ℃ 12000 g 离心 15 min, 收集上清至新的无 RNase 离心管中, -80℃保存。收集得到的样本可取 30 μL 作为 input, 剩余用于 RNA Pull down 实验。
- * 注意: 当样本不能完全裂解时(溶液很浑浊),可以适当增加裂解缓冲液的用量继续裂解。根据经验,提取到的样本蛋白浓度通常不低于 $5~\mu g/\mu L$,总量约 $2\sim3~mg$ 。如果样本中目标蛋白丰度较低,或结合物间的结合较弱,也可以增加初始样本量。裂解缓冲液的最小使用体积为 $300~\mu L$,当样本量增加时,裂解液缓冲液和抑制剂可等比例增加,但总孵育体积最大不超过离心管体积的 2/3。超声条件因样本类型和超声设备而异,可提前摸索好合适的条件。

4.2 漂洗液准备

取出 10 mL 离心管,加入 2.5 mL Wash Buffer、12.5 μL Protease inhibitor (蛋白酶抑制剂与漂洗液按 1:200 添

加) 和 1.25 μL RNase inhibitor(RNase 抑制剂与漂洗液按 1:2000 添加),混合均匀,冰上保存,现配现用。

4.3 磁珠准备

- a. 每组实验取 40 μL 的 Streptavidin Magnetic Beads 新的无 RNase 离心管中,加入 500 μL 的 NT2 Buffe,颠倒混匀 30 次,放磁力架上静置 1 min 使磁珠全部吸附于磁力架,弃上清。
- b. 再次加入 500 μL 的 NT2 Buffe, 颠倒混匀 30 次,放磁力架上静置 1 min 使磁珠全部吸附于磁力架,弃上清。
- c. 加入 200 µL 的 NT2 Buffe, 上下颠倒重悬磁珠。

4.4 RNA Pull down

- (1) 将 3 µg RNA 探针 95℃变性 3 min, 冰浴 1 min, 短暂离心甩下管壁液体, 向管中加入 50 µL RNA Structure Buffer, 室温放置 30 min。
- (2) 将 RNA 探针加入**步骤 4.3 制备**的磁珠中,放混匀仪上室温孵育 30 min;放磁力架上静置 1 min 并弃上清。
- (3) 加入 500 μL **步骤 4.2 制备的**漂洗液,颠倒混匀 30 次,放磁力架上静置 1 min 并弃上清; 重复该漂洗操作 一次。
- (4) 加入**步骤 4.1 制备**的样本裂解液,放混匀仪上 4 ℃孵育 2~4 h; 放磁力架上静置 1 min 并弃上清。
- (5) 加入 500 μL **步骤 4.2 制备的**漂洗液,颠倒混匀 30 次,放磁力架上静置 1 min 并弃上清; 重复该漂洗操作两次。

4.5 洗脱

- (1) 加入 50 μL Elution Buffer, 涡旋震荡 20 s, 放混匀仪上室温洗脱 10~15 min, 涡旋震荡 20 s。
- (7) 1000 g 离心 20 s, 放磁力架上静置 1 min, 收集上清至新的离心管中, 80℃保存, 或直接用于 Westernblot、SDS-PAGE 或质谱实验。
- *注意:RNA pull-down 捕获的蛋白量通常较少,因此 SDS-PAGE 建议用硝酸银染色而非考马斯亮蓝染色。

5. 产品注意事项

在进行实验设计时,建议加入对照组,方便后续实验结果分析。

- ▶ 请务必使用无 RNase 的实验材料:如离心管、枪头等。
- > 样本或蛋白量较少,可通过提高样本用量或更换和蛋白提取试剂盒进行蛋白提取。
- 请勿使磁珠干燥、冷冻或剧烈涡旋,会导致磁珠聚集而降低结合能力。
- > 经煮沸后会导致磁珠聚集并且失去抗体结合能力,经煮沸的磁珠不应再次使用。
- > 为了您的安全和健康,请穿实验服并戴一次性手套操作。

6. 常见问题

O: 获得的复合产物少的原因有哪些? 怎么解决呢?

- (1) 样本或蛋白量较少,可通过提高样本用量或更换和蛋白提取试剂盒进行蛋白提取;
- (2) 孵育时间较短,可延长孵育时间,但需要注意孵育时间过长也可能会导致非特异性结合增多;
- (3) RNA 探针量较少,可提高 RNA 探针用量

Q: 非特异结合蛋白较多, 怎么解决呢?

要想减少非特异性的蛋白结合在磁珠上,可通过增加漂洗时间和次数来减少非特异结合。

Q: 通过 pull-down 后银染验证发现,没有想要的目的条带?

- (1) 样品被蛋白酶降解,对应的策略是需要添加蛋白酶抑制剂,所有操作保持 4C 以下冰上操作并防止反复冻融。
- (2) 银染主要还是起到质控作用,以评估整个实验操作过程是否异常,比如评估拉下的复合体含量情况,不能决定质谱鉴定的结果,建议以质谱结果为准。